１．システムの概要と利用案内

1　利用できるマシン

ホスト名	マシン	主な用途	主なソフトウェア等
hgc	SUN SPARCserver 690MP	データベースサービス, 電子メール	FASTA, BLAST, DBGET, IRx, Entrez, C, C++, FORTRAN, PASCAL, Lisp, Prolog, S, IMSL
hgcdb	SUN SPARCserver 690MP	データベースサービス	GCG, HyperGenome, Sybase, C
hitac	HITAC M-860/160	ユーザーファイル	C, FORTRAN
iris	IRIS Crimson VGXT	グラフィックス端末, 計算サービス	QUANTA, CHARMm, X-PLOR, Gaussian92, AVS Chemistry Viewer, C, FORTRAN, IMSL
—	IRIS Indigo XS24	グラフィックス端末	AVS Chemistry Viewer, C, FORTRAN

- これらのマシンは TCP/IP ネットワーク経由で利用します。例えば、

  ```
  telnet hgc.ims.u-tokyo.ac.jp
  ```

  のように、上記のホスト名に ".ims.u-tokyo.ac.jp" をつけてください。なお、hgc.ims.u-tokyo.ac.jp の IP アドレスは133.11.196.1（または 133.11.192.1 ）です。

- ヒトゲノム解析センター 1 階にあるワークステーションは、平日午前 10 時より午後 5 時まで一般ユーザーに開放されています。

- 各マシン上のファイル（ Sybase データベースファイルを除く ）は NFS （ Network File System ）によって、全てのマシンから共通に利用可能です。また、どのマシンからログインしてもユーザーのホーム領域は HITAC になります。

- ユーザーファイルの容量の制限と長期間放置されたファイルの整理を行います。ファイルは各自でバックアップをとり、不要なファイルは速やかに消去するようにお願いいたします。

- 利用負担金は当面無料です。

2　利用できるデータベースと検索システム

データベース名	内容
nr-nt	non-redundant nucleic acid sequence database updated daily
genbank	GenBank nucleic acid sequence database (latest quarterly release)
genbank-upd	Cumulative daily updates of GenBank and DDBJ
genbank-today	Current GenBank including daily updates (genbank plus genbank-upd)
embl	EMBL nucleic acid sequence database
nr-aa	Non-redundant protein sequence database updated daily
swissprot	SWISS-PROT protein sequence database
pir	PIR protein sequence database
prf	PRF protein sequence database
pdb	Brookhaven Protein Data Bank
pdbstr	Re-organized Protein Data Bank
prosite	Dictionary of protein sites and patterns
motifdic	Dictionary of protein sequence motifs characterizing superfamilies
omim	Online Mendelian Inheritance in Man
medline	Medline "molecular sequence data" subset
litdb	PRF protein/peptide literature database published as Peptide Information
ligand	Ligand chemical database for enzyme reactions
aaindex	Amino acid index database
pmd	Protein Mutant Database
gdb	The Genome Data Base
linkdb	Database of database links
epd	Eukaryotic promoter database

検索システム	内容	利用形態
BLAST	ホモロジー検索	電子メール、 WWW
FASTA	ホモロジー検索	電子メール
MOTIF	モチーフ検索	電子メール、 WWW
DBGET	簡単なエントリー検索	電子メール、 WWW、 Gopher、 Client-Server
IRx	個別のデータベース検索	オンライン、 Gopher
Entrez	統合型データベース検索	オンライン、 Gopher
GCG	分子生物学解析パッケージ	オンライン (登録ユーザーのみ)

3　研究成果公表

ヒトゲノム解析センターを利用した研究の成果を公表する際には、ヒトゲノム解析センターの計算機システムを利用した旨の謝辞を入れてくださるようお願いいたします。なおヒトゲノム解析センターの正式名称は次のとおりです。

和文：東京大学医科学研究所ヒトゲノム解析センター

英文： Human Genome Center, Institute of Medical Science, The University of Tokyo

発表論文の別刷等は年度末の研究成果報告書とともに提出してください。

計算機利用に関する問い合わせ先

〒108　東京都港区白金台 4-6-1
東京大学医科学研究所ヒトゲノム解析センター
FAX　03-5449-5434
TEL　03-5449-5620　システム利用法などテクニカルな問い合わせ
03-5449-5611　利用登録など事務的な問い合わせ